

Utiliser l'ADNe pour étudier la Grenouille des champs en France



Jean-Pierre Vacher

Saint-Dizier, 29 Novembre 2019

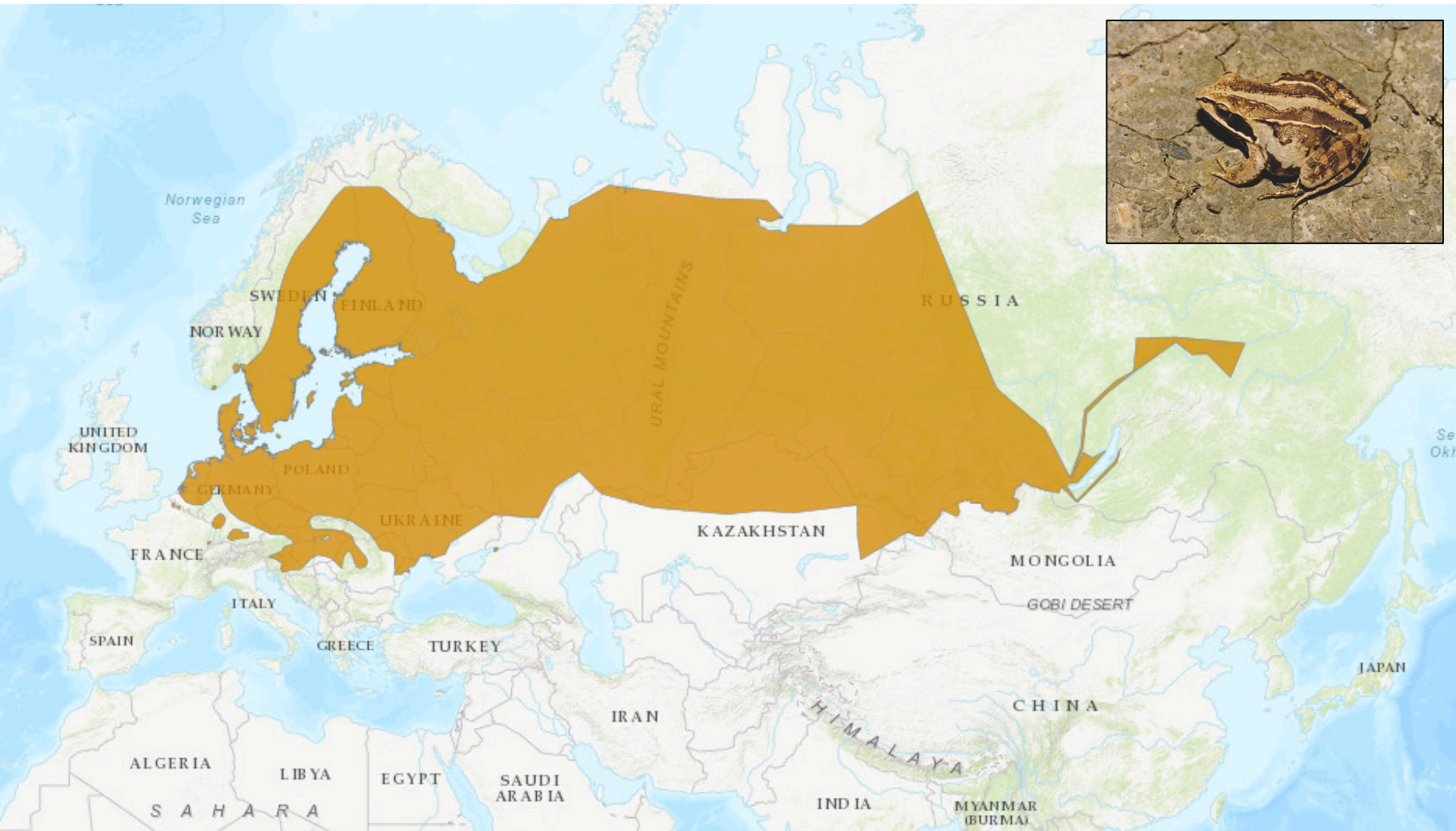
jp.vacher@bufo-alsace.org





katharina Becker

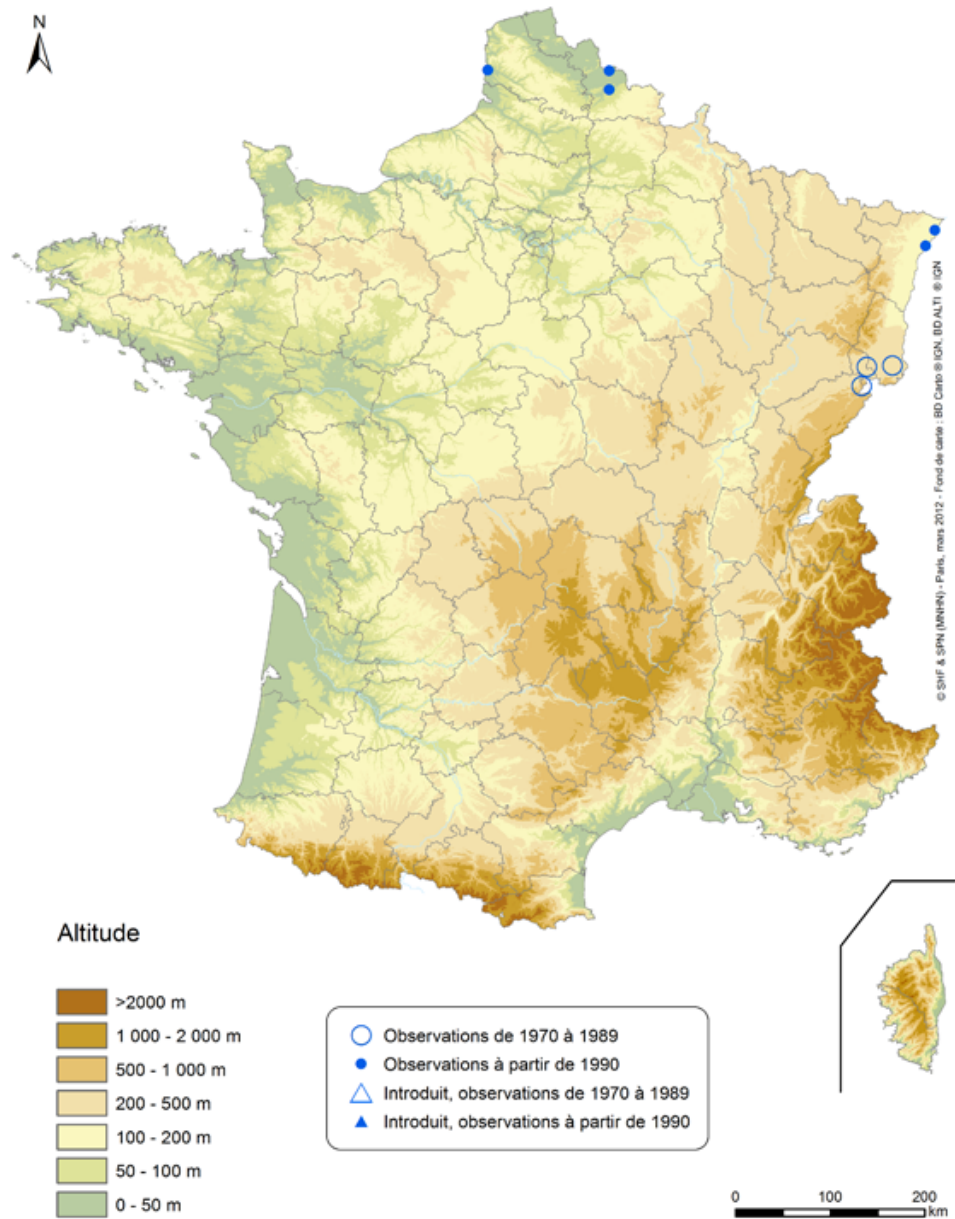




(Source : IUCN red list)

Introduction

- Découverte dans le Nord en 1999 (Caby et al., Bull. Soc. Herp. Fr. 2000)
- (re-) Découverte dans le Pas-de-Calais en 2011 (Duhayon & Masquelier, Plan d'actions 2013)
- Découverte dans la Somme en 2014 (Blondel, Avocette, 2014)
- Prémumée disparue du Sundgau (68 et 90)
- Observations très disparates dans le Bas-Rhin (Vacher, Bull. Soc. Hist. Nat. Colmar 2010)



Introduction



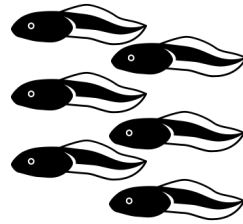
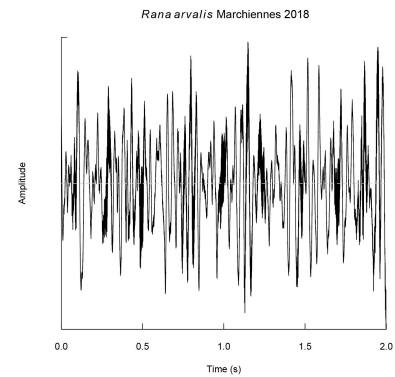
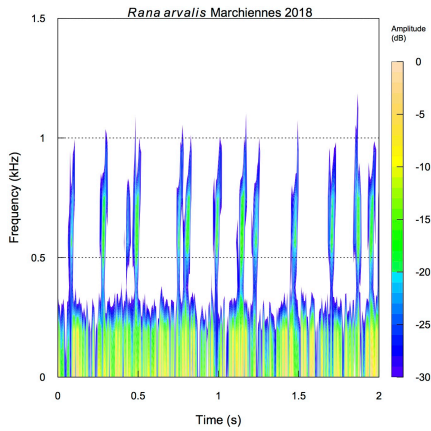
Vred – avril 2018

Introduction



Vred – avril 2018

Introduction



R. arvalis

R. temporaria

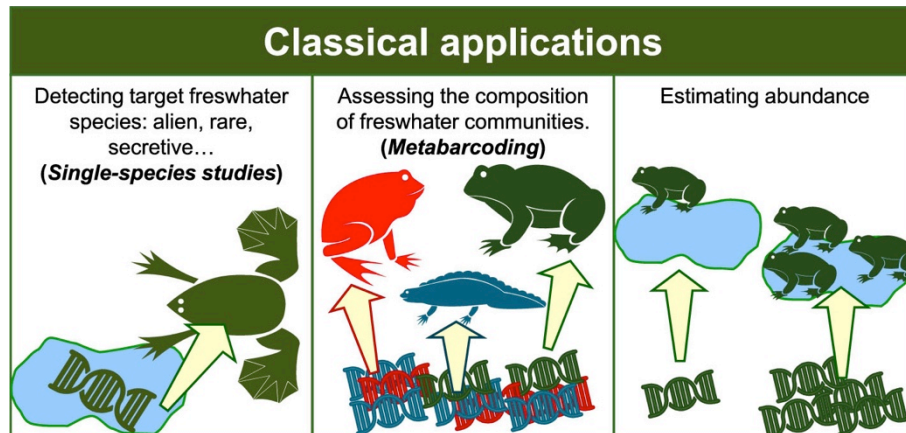
R. dalmatina



~ 1 semaine

Introduction

Utilisation de l'ADNe pour détecter l'espèce, bonne idée ?



BRILL

Amphibia-Reptilia 40 (2019): 129-148



brill.com/amre

Invited Review

Environmental DNA and metabarcoding for the study of amphibians and reptiles: species distribution, the microbiome, and much more

Gentile Francesco Ficetola^{1,2,*}, Raoul Manenti¹, Pierre Taberlet²

Matériels et méthodes



MUSÉUM
NATIONAL D'HISTOIRE NATURELLE

BUFO



AGIR pour la
BIODIVERSITÉ
NORD



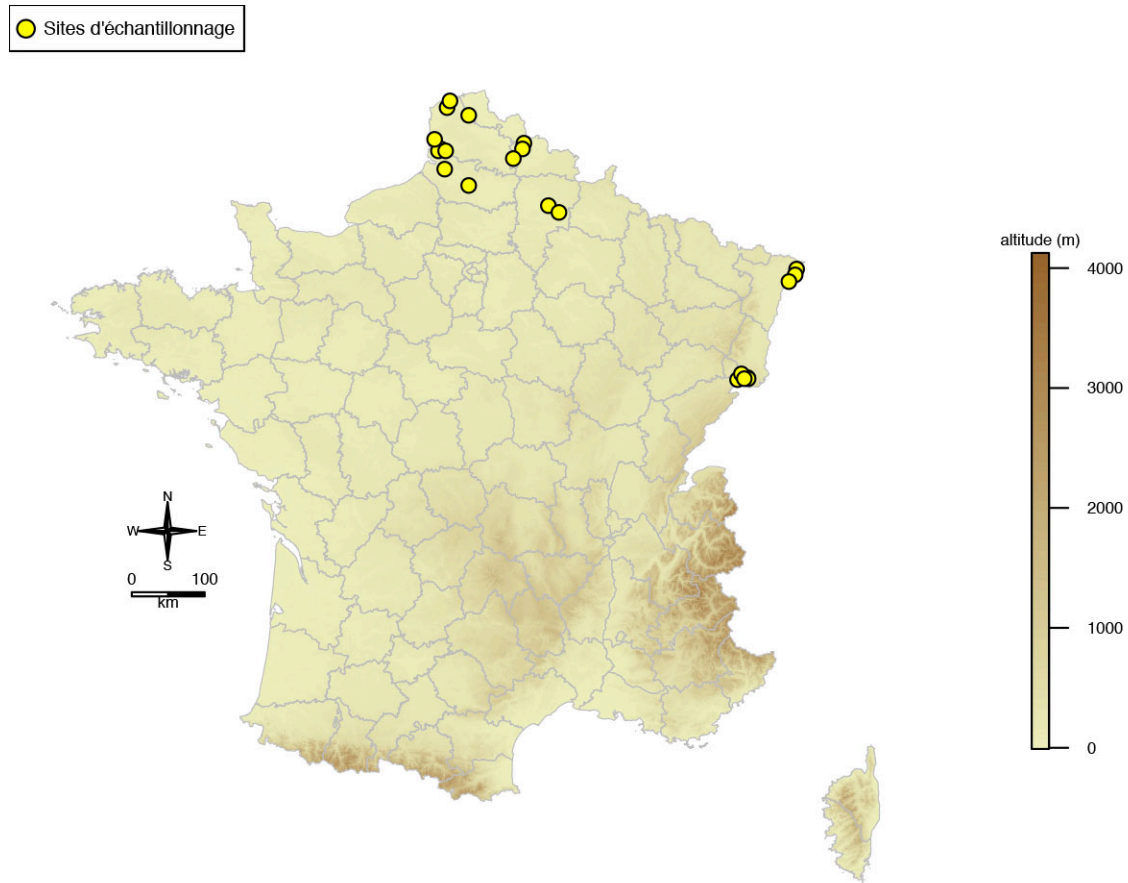
AGIR pour la
BIODIVERSITÉ
FRANCHE COMTE

Nord
le Département est là →



Matériels et méthodes

N=50

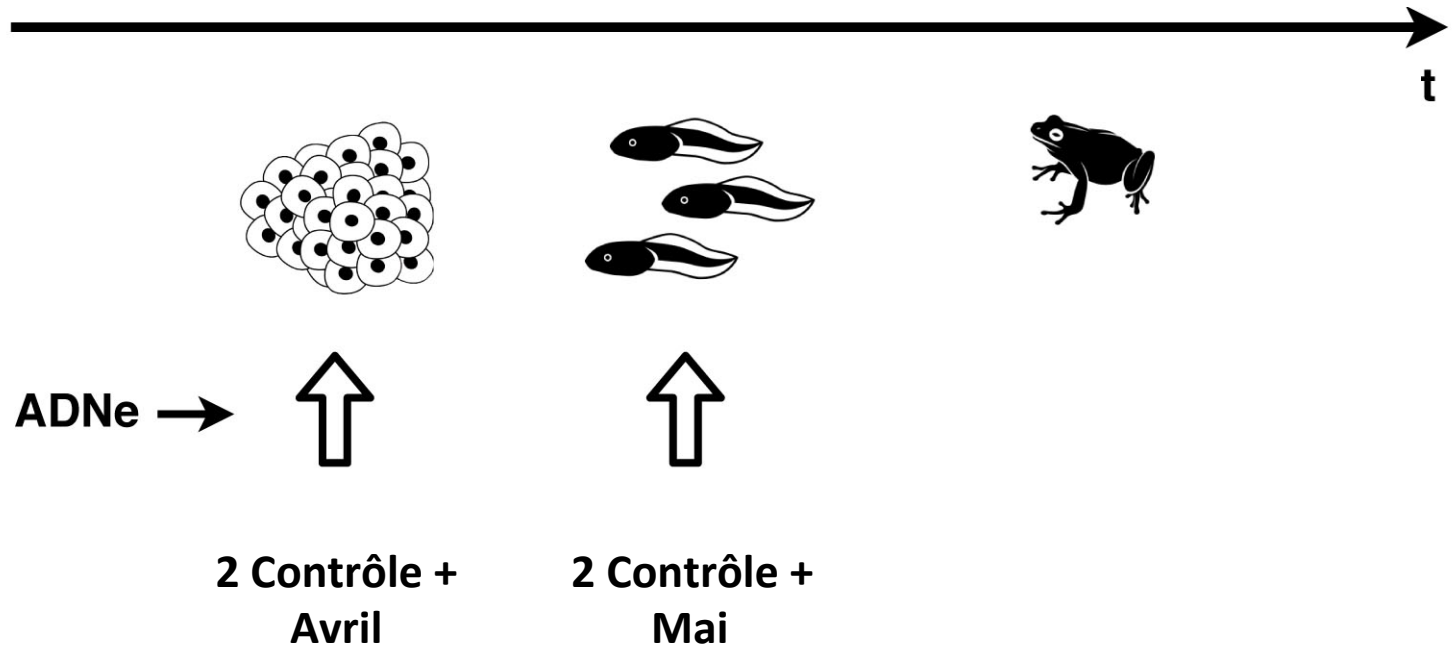


Matériels et méthodes



- 2 avril 2019 : CD59, CEN, PNR, Syndicat Mixte Baie de Somme, BUFO
- Prélèvements de contrôles positifs (n = 4)

Matériels et méthodes



- 2 avril 2019 : CD59, CEN, PNR, Syndicat Mixte Baie de Somme, BUFO
- Prélèvements de contrôles positifs (n = 4)

Matériels et méthodes



Matériels et méthodes



Matériels et méthodes

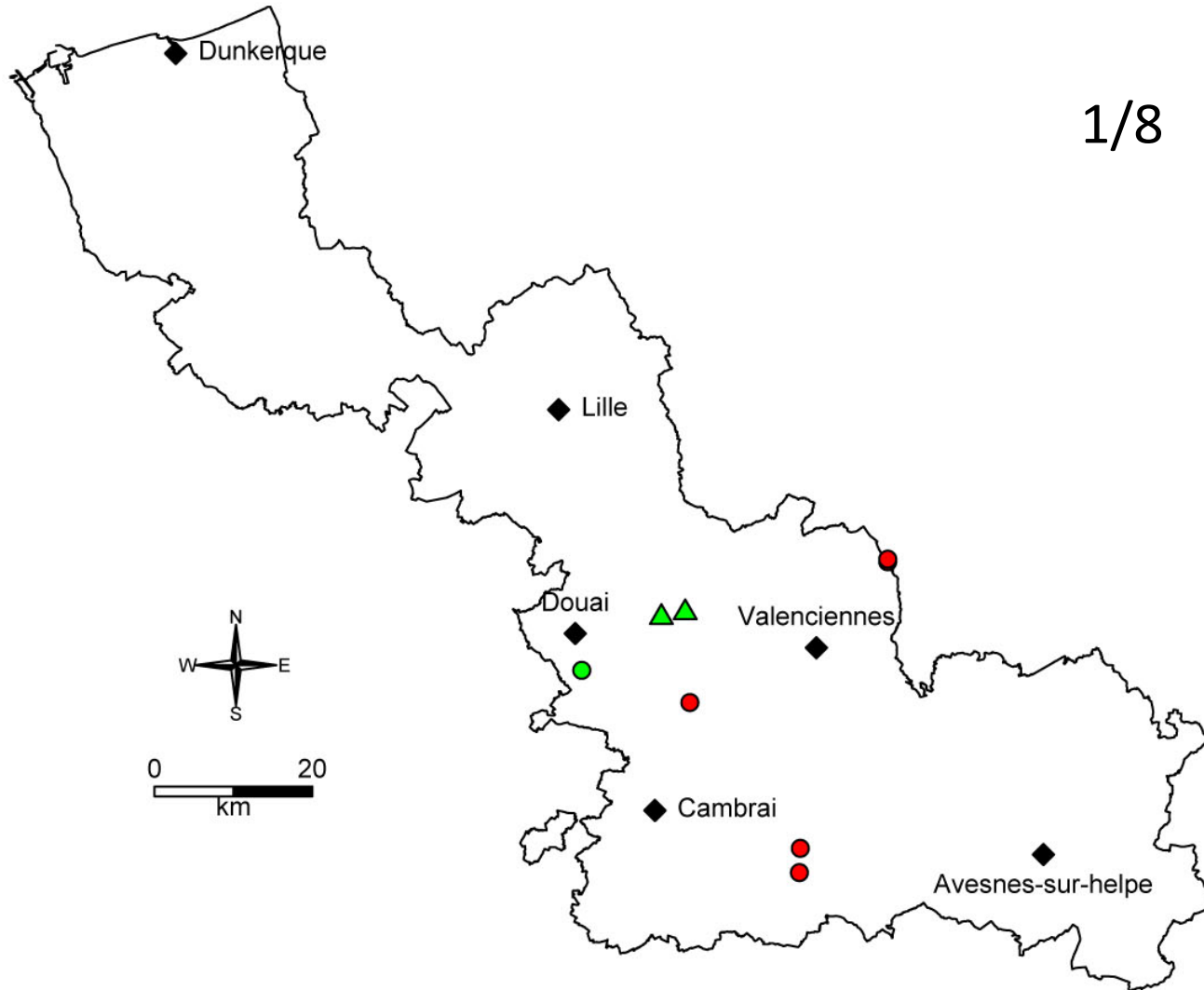


qPCR : 8 réplicats

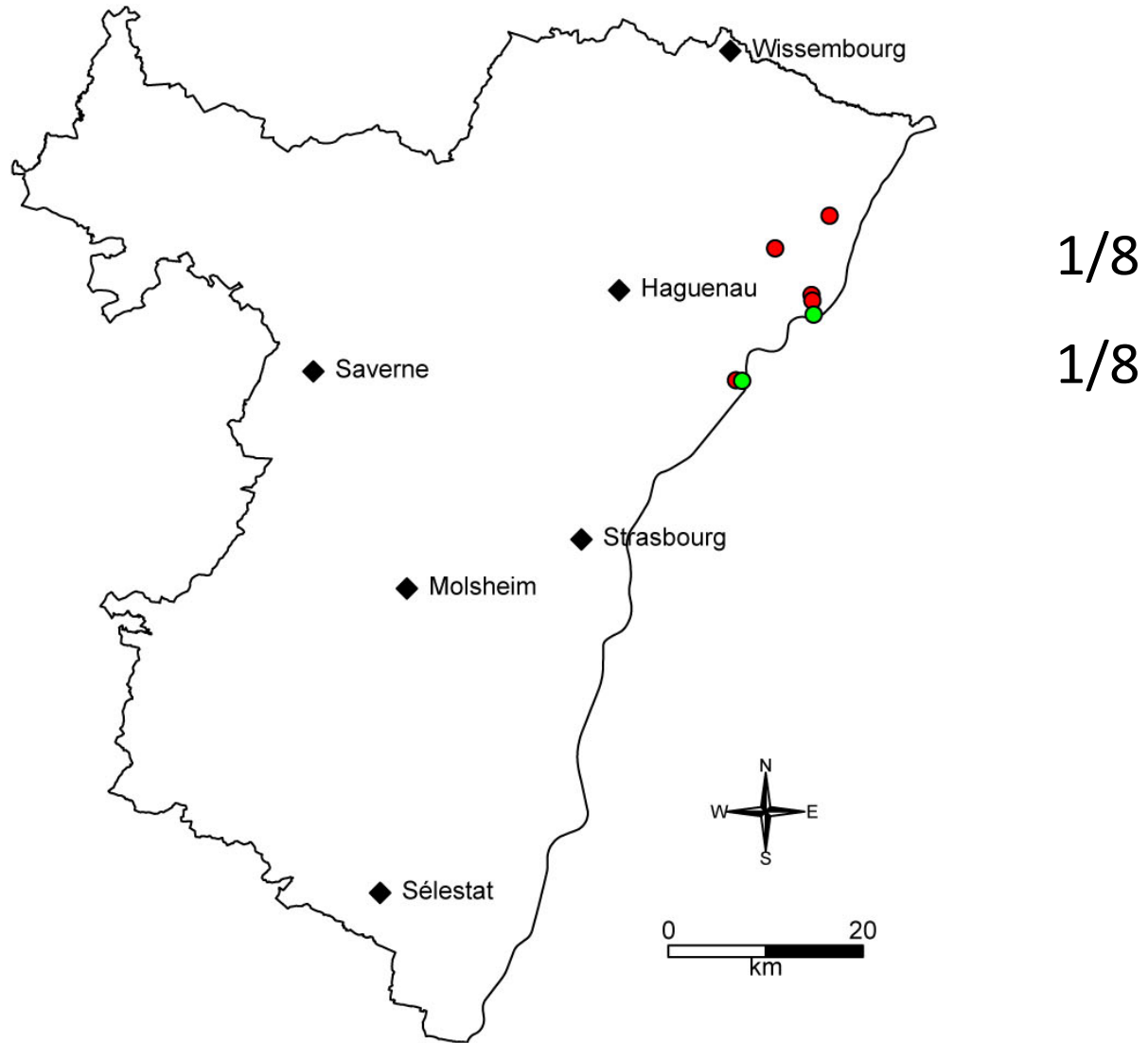
Résultats

- Tests (contrôles positifs) : 3 à 8/8, 1 à 4/8
- 4 sites positifs / 50 : 3 à 1/8, 1 à 2/8

Nord



Bas-Rhin



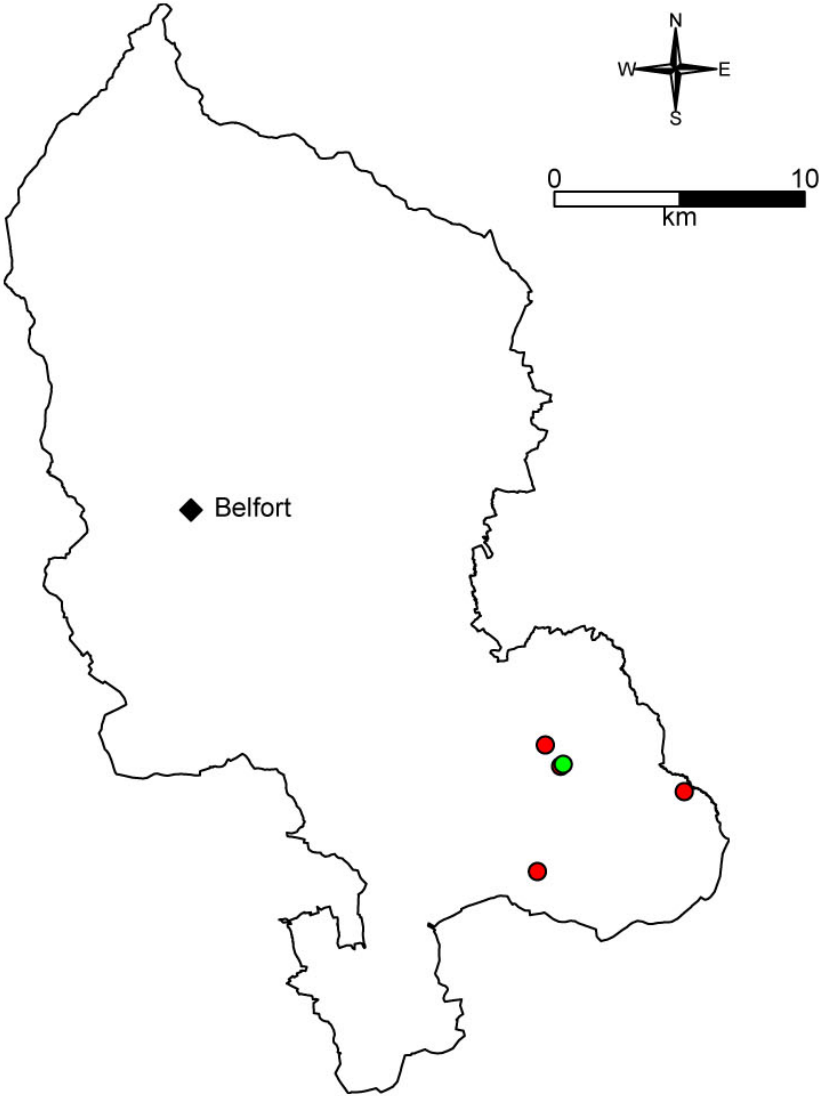
Résultats



Résultats

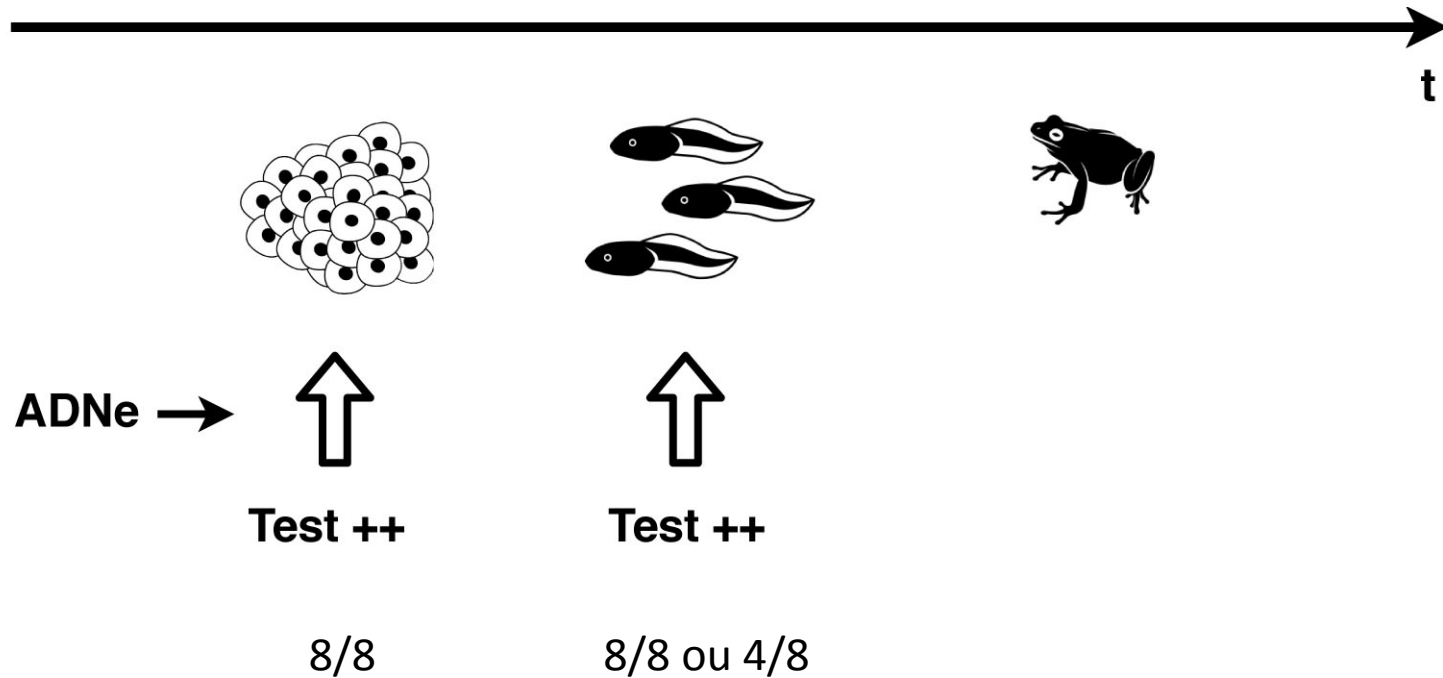


Territoire-de-Belfort



2/8

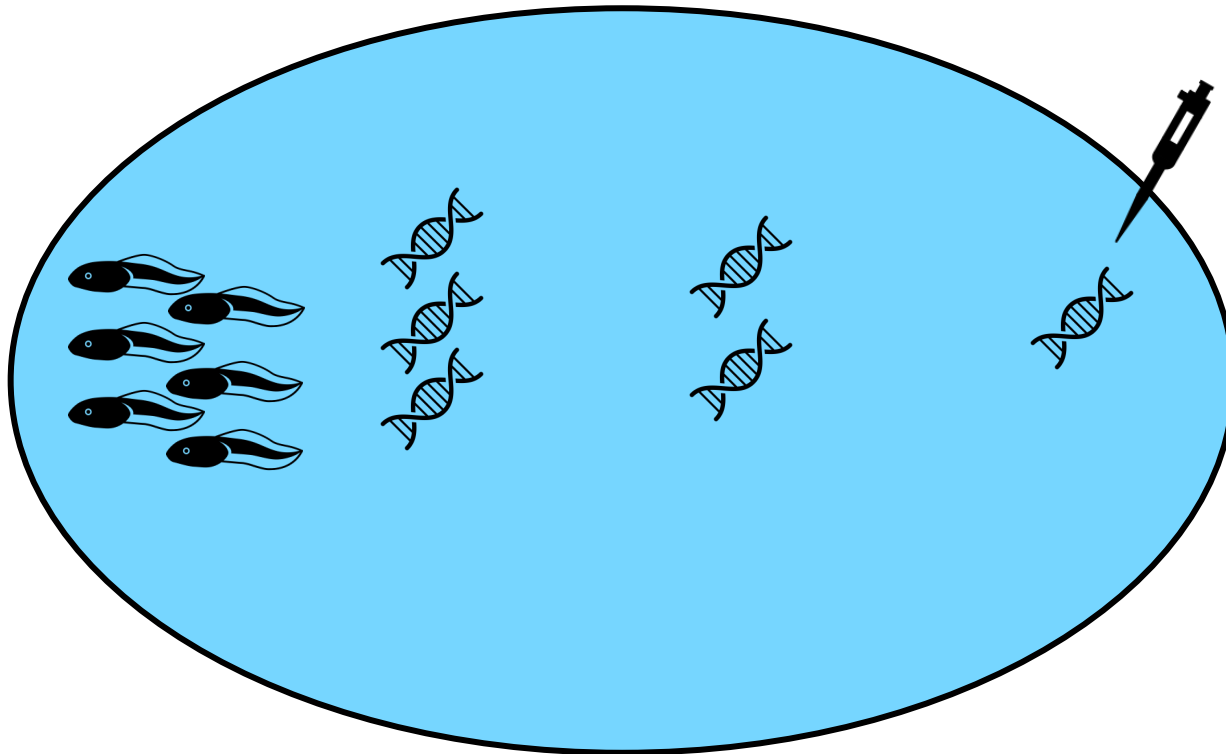
Discussion



La méthode fonctionne

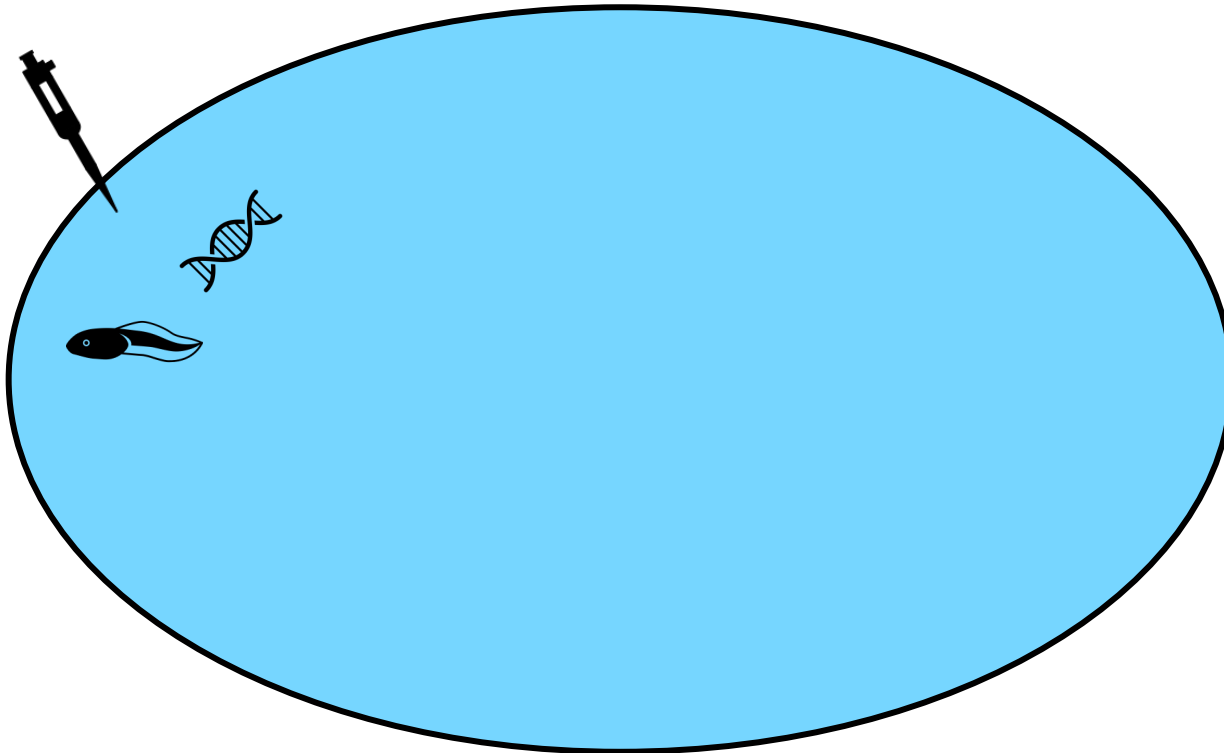
Discussion

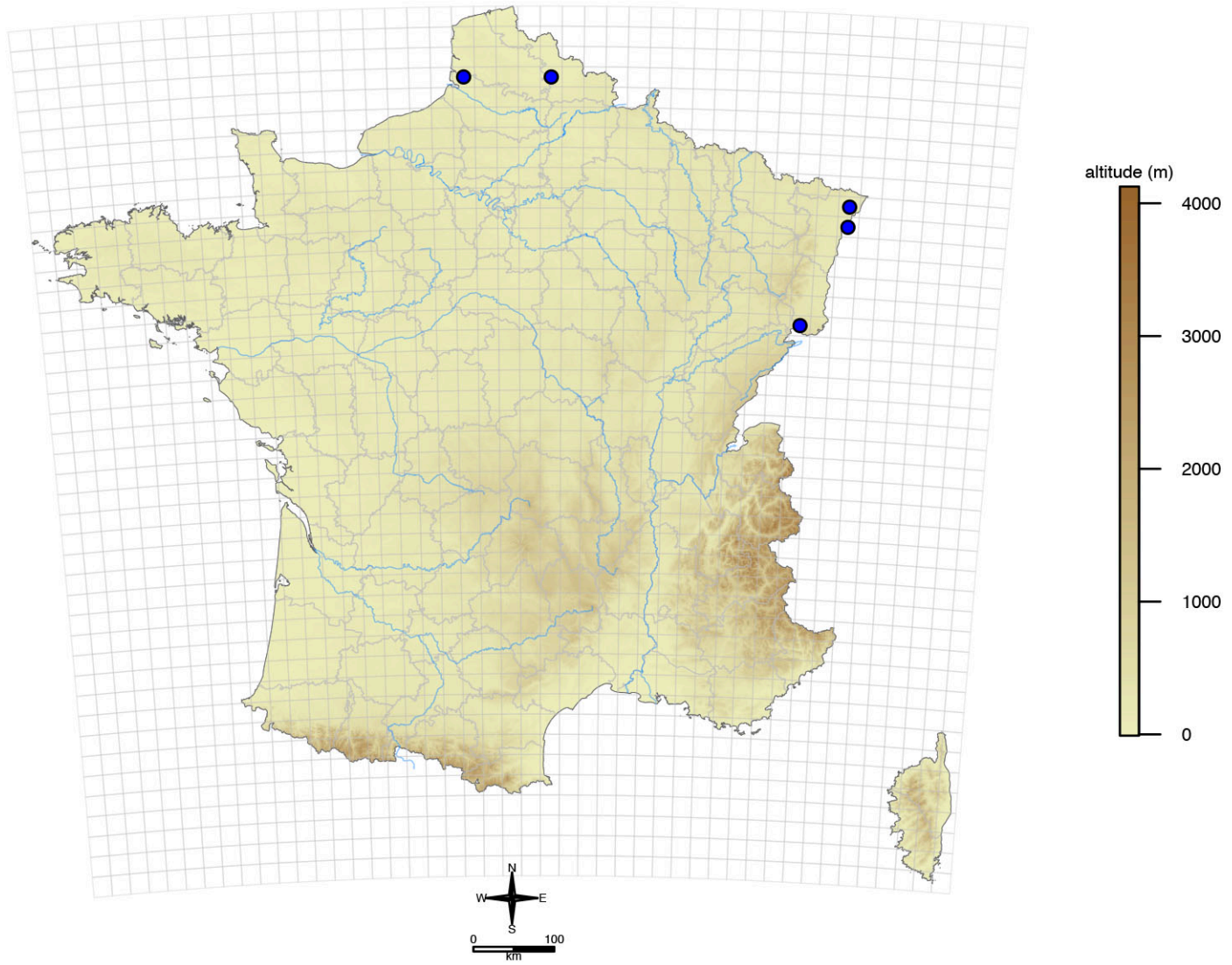
Peu d'ADN : Hypothèse 1



Discussion

Peu d'ADN : Hypothèse 2





**Merci pour votre attention !
Merci à tous les partenaires cités en diapo n°6 (ou 7)**

